

ERREURS DE PRÉLÈVEMENTS, DES CONSÉQUENCES PARFOIS LOURDES, SOUVENT ÉVITABLES

Nous recensons de plus en plus d'erreurs de prélèvements, le numéro de l'animal inscrit sur le sachet ne correspondant pas à celui de l'animal prélevé. Ce peut-être une simple erreur d'écriture ou d'inversion de deux échantillons... mais cette petite erreur est la source de grosses difficultés et donc de retards de traitement.

Prenons un exemple : vous souhaitez faire participer un ou plusieurs de vos animaux à un événement nécessitant un profil ADN avec contrôle de la filiation et une mutation avec l'analyse de la mère de l'animal. Vous prélevez un couple mère-veau mais vous inversez par erreur les deux échantillons :

- Rien ne permet a priori d'identifier l'erreur.
- Le veau va donc être incompatible de père (puisque c'est le prélèvement de la mère) mais il sera compatible avec sa mère (c'est le produit).
- Un/ plusieurs pères seront proposés sans jamais correspondre...
- L'inversion des échantillons va devenir une possibilité. Pour valider cette inversion, de nouvelles analyses ou des recherches vont engendrer un surcoût facturé à l'éleveur.
- Une fois le constat de l'inversion réalisé, nous devons corriger les informations des échantillons dans notre base mais surtout faire les démarches nécessaires pour corriger toutes les informations envoyées dans les bases de données nationales et raciales et apporter à nouveau les informations pour les bons animaux.
- C'est alors qu'on se rend compte que la mutation a été analysée non sur le produit mais sur sa mère et qu'il faut réanalyser le produit pour obtenir la mutation désirée.

Globalement, nous trouvons la plupart du temps la solution et nous remettons les choses en ordre mais au prix d'un délai de traitement beaucoup plus important et d'analyses supplémentaires. Ces erreurs peuvent empêcher une participation à un événement ou à une vente.

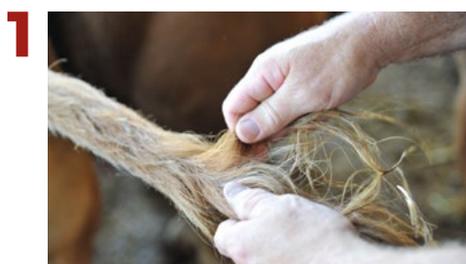
Petit point pratique :

- La demande de kit de prélèvement auprès d'IngenomiX est gratuite, n'hésitez pas à anticiper vos besoins.
- Lorsque vous souhaitez faire un ou des prélèvements, préparez vos sachets en écrivant a minima les numéros de travail avant de réaliser les prélèvements. De cette manière, si un prélèvement a été placé dans le mauvais sachet, ce sachet manquera pour le prélèvement suivant, vous saurez donc que vous avez fait une erreur et que vous devez recommencer.

Voici un petit rappel des bonnes pratiques :

Le préleveur doit être habilité par l'Etablissement de l'Élevage (appelé EdE).

Zoom sur les bonnes techniques de prélèvement, afin d'obtenir des échantillons exploitables :



1 Ne prélevez que les poils du toupet de la queue en tirant fort.



2 Assurez-vous que les bulbes blancs soient bien présents à l'extrémité des poils.



3 Prélevez une mèche de poils de la grosseur du pouce.



4 Les poils placés dans le sachet doivent être secs et le plus propre possible. Remplissez soigneusement les informations sur le sachet.

MISE À JOUR DE LA TABLE DE RÉFÉRENCE : EVALIM® 2020_1

La mise à jour régulière des équations de prédictions des tests EvaliM® permet d'améliorer la fiabilité des tests en ajoutant de nouveaux animaux génotypés dans la population de référence et en prenant en compte les dernières performances enregistrées pour les animaux. Ces performances sont actuellement les index IBOVAL, les mesures d'Ouverture Pelvienne ou encore le pointage des mamelles. Cette mise à jour annuelle peut modifier les scores des animaux évalués mais aussi la table de référence des scores versus « index IBOVAL ».

Cette table décrit, pour chaque score génomique obtenu, la moyenne des index IBOVAL réels des animaux constituant la population de référence.

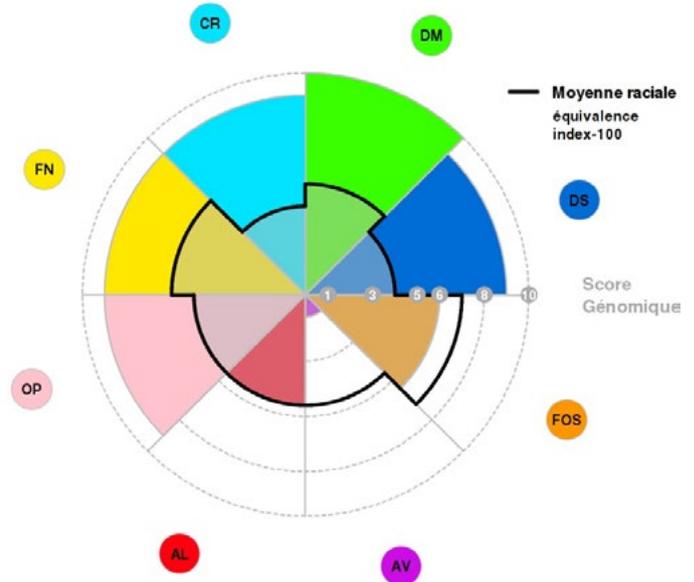
Par exemple, la moyenne IBOVAL des animaux ayant un score de 1 en IFNAIS est de 85.8, ou la moyenne IBOVAL des animaux ayant un score de 5 en DMsev est de 100.1.

La valeur la plus proche de 100 est surlignée en rouge dans le tableau et est représentée sur le diagramme en radar de chaque animal par un trait noir continu (cf. diagramme en radar EvaliM®).

Les résultats des animaux mis à jour sont disponibles sur l'espace pro du site internet limousine.org.

Solange FAURISSON,
IngenomiX

Score	IFNAIS	CRsev	DMsev	DSsev	FOSsev	AVel	ALait
1	85,8	91,1	86,1	88,2	86,6	87,1	90,9
2	91,9	96,6	92,7	94,6	91,5	94	95,4
3	94,3	98,8	95,7	97,6	94	96,8	97,3
4	96,2	100,8	97,9	100	95,8	98,9	98,8
5	97,9	102,3	100,1	101,9	97,3	100,5	100
6	99,5	103,8	101,9	104	98,7	102,1	101,2
7	101,1	105,3	104,2	105,9	100,4	103,7	102,5
8	102,7	107	106,5	108,1	102,2	105,6	104
9	105	109,1	109,5	110,8	104,5	108	105,8
10	108	111,7	112,8	113,8	106,9	110,5	108
10+	111,6	114,3	117,2	117,3	110,3	114	110,9
10++	121	119,2	126	123,1	117,3	119,4	115,1



Le moyen le plus simple, le plus rapide et le plus économique pour accélérer le progrès génétique !

Le test génomique EvaliM® permet de prédire le potentiel d'un bovin de race Limousine à partir de son ADN.

C'est un **test complet** comprenant :

- les scores génomiques pour 12 caractères,
- les index IBOVAL génomiques,
- le profil ADN et la filiation,
- la recherche de gènes d'intérêt,
- la recherche d'anomalies génétiques (en option).

05 55 06 46 52 - contact@ingenomix.fr
www.ingenomix.fr
f /ingenomix

