

De nouveaux outils génomiques : La limousine en évolution permanente

IngenomiX fait évoluer sa gamme d'outils en les rendant encore plus accessibles aux éleveurs. Profitant des évolutions technologiques, l'entreprise de génomique animale créée par les professionnels de la race Limousine propose de nouveaux outils encore plus précis et moins onéreux pour prédire précocement le potentiel génétique des animaux de race Limousine.

De nouveaux services étoffent la gamme IngenomiX

IngenomiX propose une gamme d'analyses génomiques comprenant les outils de sélection génomique EvaLiM® (mâles et femelles) et EvaLiM MODULO®, (femelles uniquement), la recherche du statut « culard » (déttection des allèles de la myostatine), ou « sans corne » (porteur homozygote ou hétérozygote du gène (*polled*) ainsi que les opérations de filiations (SNP d'identification et Vérification de Compatibilité Génétique). Toutes ces analyses génomiques pourront être conduites à partir d'un même prélèvement de poils.

La recherche d'animaux sans corne se développe dans les élevages Limousins autant pour des raisons de sécurité que pour éviter le stress lié à l'écornage.

Les opérations de filiations menées par IngenomiX sont réalisées dans le cadre de la base de données nationale de SNP et du fichier racial et à ce titre, sont reconnues officiellement.

IngenomiX simplifie les opérations de prélèvements pour les éleveurs et les personnes habilités en extrayant l'ADN à partir de simples échantillons de poils pour réaliser toutes ses analyses génomiques.

Un maximum d'infos dans un seul outil !				Outil flexible dépendant des options choisies			
+/- HP Profil SNP + VCG MH FN CR DM DS FOS AV AL	Sans corne en option SNP d'identification + filiation* inclus Statut culard inclus Evaluation génomique sur 7 caractères inclus	+/- HP Profil SNP + VCG MH FN CR DM DS FOS AV AL		+/- HP +/- Profil SNP +/- VCG +/- MH +/- 1 CARAC. +/- 1 CARAC.	Sans corne en option SNP d'identification + filiation en option Statut culard en option Evaluation génomique sur des caractères supplémentaires en option		Evaluation génomique sur 2 caractères au choix = pack minimum
POUR LES MÂLES				POUR LES FEMELLES			
EVALIM® BY INGENOMIX COMPLET		EVALIM® BY INGENOMIX COMPLET		EVALIM MODUL			
<small>* Filiation réalisée lorsque les parents disposent déjà d'un profil SNP et que le prélèvement a été réalisé par un prélevEUR habilité.</small>							

Plusieurs intérêts découlent directement de ces tests :

- Un seul prélèvement de poils suffit pour faire toutes les analyses génomiques : en éliminant l'étape de prise de sang, IngenomiX simplifie les opérations de prélèvements.

- IngenomiX étoffe sa gamme de services génomiques et offre à ses utilisateurs un panel de services génomiques complet, au bénéfice des éleveurs.

- Les analyses de filiation et la recherche du gène MH sont réalisées systématiquement pour les animaux entrant à la station de Lanaud.



				Mutations causales
	L'outil génomique de référence en race Limousine	La précision de l'EvaLiM à moindre coût pour les femelles	La sélection à la carte !	Nouveaux services
Présentation	<p>Pour les mâles, EvaLiM® devient désormais incontournable pour les reproducteurs issus des stations.</p> <p>En se basant exclusivement sur le patri-moine génétique d'un jeune taureau, c'est-à-dire son ADN, il est possible de prédir ce qu'il peut apporter dans le cheptel.</p>	<p>Le test génomique EvaLiM® destiné aux femelles donne accès à une évaluation précise des reproductrices du cheptel à un prix abordable. Grâce aux évolutions technologiques et au développement de nouvelles puces à ADN, cet outil de sélection devient nettement plus accessible.</p>	<p>Test réservé aux femelles.</p> <p>Service à la carte : les postes à analyser sont à choisir parmi les 7 caractères proposés par EvaLiM®, avec la possibilité d'inclure la recherche de certaines mutations causales ainsi que les filiations.</p> <p>Le mot d'ordre : Flexibilité</p>	<p>Service proposé en supplément ou indépendamment des outils de sélection génomique.</p> <p>Recherche du caractère sans corne : la présence de cornes est un caractère récessif. Seuls les homozygotes transmettront dans 100% des cas ce caractère à leur descendance.</p> <p>Le phénotype « culard » est responsable d'un fort développement musculaire. Ce test permet de détecter les différents allèles mutés du gène de la myostatine et de connaître le statut homozygote de l'animal pour le MH.</p>
Caractères évalués	<ul style="list-style-type: none"> ▶ 7 caractères (FN, CR, DM, DS, FOS, AV, AL) ▶ Recherche du caractère sans corne et du culard ▶ Filiation 		<p>2 caractères minimum au choix et/ou mutations causales et/ou filiations (SNP et VCG).</p>	<p>Recherche des mutations causales :</p> <ul style="list-style-type: none"> ▶ Statut « Sans corne » : gène « <i>Polled</i> » (HP). ▶ Statut « Culard » : gène « <i>myostatine</i> » (MH).
Les +	<ul style="list-style-type: none"> ▶ Un nouvel indicateur génomique, disponible précocement. ▶ Le test le plus complet avec 7 caractères évalués. ▶ Prédiction à partir des marqueurs génétiques de l'animal, sans influence de l'élevage d'origine. 	<ul style="list-style-type: none"> ▶ Tarif très attractif pour la voie femelle. ▶ Une précision aussi élevée que pour les mâles. ▶ Un nouvel indicateur, accessible dès la naissance. 	<ul style="list-style-type: none"> ▶ Choix des caractères à évaluer pour répondre aux attentes des éleveurs. ▶ Tarif attractif pour la sélection sur la voie femelle => maîtrise du budget génotypage. ▶ Précision identique à celle d'un EvaLiM® complet. 	<ul style="list-style-type: none"> ▶ Aspect officiel des analyses réalisées si le prélèvement est effectué par un préleveur habilité par l'EDE. ▶ Un seul prélèvement de poils pour faire toutes les analyses.
Score et résultats	<p>Les animaux reçoivent une note de 1 à 10 pour chaque caractère, un score de 1 correspondant à un profil génomique proche de celui des animaux les moins améliorateurs de la population de référence. Au contraire, un animal recevant un score de 10 aura des similitudes avec les génomes des animaux les plus remarquables de la race.</p> <p>Chaque score de 1 à 10 représente 10% des valeurs génomiques des animaux de la population de référence. Pour les notes les plus élevées, le 10+ correspond au TOP 5% et le 10++ regroupe les 1% meilleurs de la race.</p> <p>Dans le cadre de recherche des mutations causales, la mention, « hétérozygote » ou « homozygote » sera indiquée si celui-ci porte un ou deux allèles mutés. Si l'animal n'est porteur d'aucune mutation, la mention « non-porteur » est précisée.</p>			<p>Dans le cadre de recherche des mutations causales, la mention, « hétérozygote » ou « homozygote » sera indiquée si celui-ci porte un ou deux allèles mutés. Si l'animal n'est porteur d'aucune mutation, la mention « non-porteur » est précisée.</p>
L'utilisation conseillée	<p>EvaLiM® apporte l'information nécessaire pour raisonner l'utilisation de votre taureau dès les premiers accouplements.</p>	<p>Que ce soit pour confirmer le potentiel génétique d'une reproductrice ou pour évaluer celui d'une génisse, le nouveau EvaLiM® constitue un appui important dans le choix de vos accouplements.</p> <p>De plus, cet indicateur du potentiel génétique constitue un argument commercial à ne pas négliger.</p>	<ul style="list-style-type: none"> ▶ Évaluation génomique des caractères choisis pour les femelles de renouvellement. ▶ Aide dans le choix des accouplements. ▶ Argument commercial pour la vente de l'animal ou de sa descendance. ▶ Confirmation du potentiel génétique des femelles. 	<ul style="list-style-type: none"> ▶ Connaissance du statut MH et sans corne de l'animal. ▶ Organiser la sélection de noyaux de reproducteurs. ▶ Pour tous les animaux devant être inscrits au HBL.

plaquette cofinancée par :



Moteur de la génomique en race Limousine
www.ingenomix.fr