



Bien comprendre le rendu de résultat



Dans le cadre des tests EvaliM® et EvaliM MODULO®, le potentiel génétique de l'animal est évalué au travers d'un score génomique qui s'échelonne de 1 à 10 en se basant sur la population de référence globale Limousine.

Bien interpréter un résultat génomique

Les scores génomiques sont le résultat d'une équation de prédiction mise en place pour confronter les marqueurs génétiques (ou SNP) et les performances des animaux de la population de référence. Ainsi, le potentiel génétique de n'importe quel animal de race Limousine peut être évalué à partir d'une analyse de son ADN. Un score élevé (proche de 10) suggère que l'animal analysé dispose d'une majorité de marqueurs favorables pour le caractère considéré et qu'il aura donc plus de chance de le transmettre à sa descendance.

EvaliM® est aujourd'hui l'outil génomique standard en race Limousine. Il apporte une **information précoce et fiable** sur les sept caractères traditionnellement évalués dans le cadre d'IBOVAL, y compris les caractères de facilités de naissance et de qualités maternelles.

Les résultats prennent la forme d'un tableau et d'une représentation graphique (voir exemple ci-contre). Le radar donne une indication visuelle du profil de l'animal. Chaque animal dispose de qualités et de défauts et il est rare (mais pas impossible) d'obtenir des scores génomiques favorables sur des caractères qui sont corrélés négativement.



INGENOMIX
Pôle de Lanaud
87220 Boisseuil
Tel: 05.55.06.46.52
Email: contact@ingenomix.fr
Web: www.ingenomix.fr



Nom GAEC: XXXXXXXX
Date de demande XX/XX/XXXX
Réf. commande XXXXXXXX-XXX

Profil génomique individuel

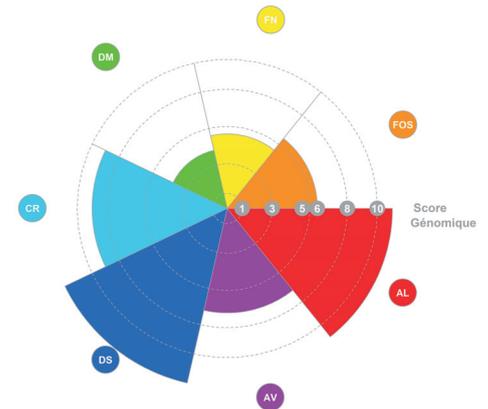
Base de référence INGX-2013

Nom animal XXXXXXXX N° animal FRXXXXXXXXXX Sexe (M/F) M Date de naissance XX/XX/XXXX

Les échantillons biologiques ont été prélevés sous la responsabilité :

X de l'éleveur ou du demandeur d'un technicien-préleveur habilité N° agrément

Caractère	Score génomique 1 : non améliorateur 10 : excellent	Moyenne raciale équivalence index-100
Facilités de naissance (FN)	5	7
Potentiel de croissance (CR)	9	3
Dév. musculaire (DM)	4	6
Dév. squelettique (DS)	10++	3
Finesse d'os (FOS)	6	7
Facilités de vêlage (AV)	7	4
Aptitude à l'allaitement (AL)	10+	6



Pour chaque caractère, le score génomique et la note correspondant à la moyenne raciale sont indiquées. **Cette note correspond au score moyen** pour lequel les animaux de la population de référence ont approximativement un index IBOVAL de 100. Cette note sert de repère et permet d'estimer les écarts entre l'échelle issue de la population de référence et l'indexation IBOVAL.

Dans le cadre des **analyses de mutations causales**, (recherche du caractère sans corne ou culard), le statut porteur hétérozygote ou homozygote de la (ou des) mutation(s), est mentionné en annexe de la fiche de rendu de résultat.

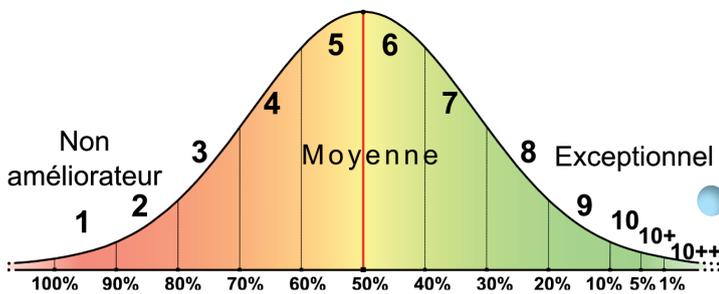


EvaLiM[®] modulo, l'outil à la carte

UNE POPULATION DE RÉFÉRENCE UNIQUE AU MONDE

Dans le cadre de la sélection génomique, c'est la qualité de la population de référence (nombre et choix des animaux la constituant), qui influence la qualité des prédictions génomiques calculées. La population de référence de la race Limousine se compose de plus de 3.000 taureaux Limousins français génotypés et parfaitement connus sur leurs performances sur descendance.

La répartition des scores génomiques pour cette population de référence est représentée ci-dessous. La classe 10 correspond aux 10% meilleurs animaux ; cette classe est découpée en une classe 10+ pour distinguer les 5% meilleurs et 10++ pour le top 1%. La moyenne se situe entre 5 et 6, mais il est important de garder à l'esprit que cette valeur correspond au niveau moyen des mâles actuellement diffusés.



FLEXIBILITÉ ++ !

Dans sa version minimale, EvaLiM MODULO[®] propose à l'éleveur de choisir deux caractères parmi les sept caractères évalués par EvaLiM[®] (FN, CR, DM, DS, FOS, AV, AL). Les autres caractères ainsi que la recherche de mutations causales (sans corne, culard) et les filiations peuvent être ajoutés en options.

EvaLiM MODULO[®] en quelques mots :

- ▶ Réserve aux femelles.
- ▶ Une évaluation génomique précoce pour trier ses génisses de renouvellement.
- ▶ Une précision identique à EvaLiM[®].
- ▶ Améliorer les qualités maternelles du troupeau, et les caractères plus difficiles à estimer.
- ▶ Un budget maîtrisé en ciblant les caractères à améliorer.
- ▶ Complémentaire d'EvaLiM[®] pour raisonner les accouplements.

	Caractéristiques			Mutations causales et filiation
Population de référence	3000 taureaux français			-
Marqueurs analysés sur le génome	54000 marqueurs			Marqueurs spécifiques
Scores	1 à 10 par caractère	Basés sur la moyenne des IBOVAL de la population de référence		-
Caractères analysés	FN CR DM DS FOS AV AL	7 caractères	2 caractères minimum au choix + autres caractères en option	Culard Sans-corne
Gène Myostatine (MH) (culard)	Homozygote, hétérozygote ou non porteur	INCLUS	EN OPTION	Test individuel
Gène Polled (sans corne)	Homozygote, hétérozygote ou non porteur	EN OPTION	EN OPTION	Test individuel
Filiation	VCG (Vérification de Compatibilité Génétique)	INCLUS*	EN OPTION*	Test individuel
	Profil SNP	INCLUS	EN OPTION	Test individuel

* Filiation réalisée lorsque les parents disposent déjà d'un profil SNP et que le prélèvement a été réalisé par un préleveur habilité.

plaquette cofinancée par :



Moteur de la génomique en race Limousine
www.ingenomix.fr